



IDENTIFICAÇÃO DE GENES ASSOCIADOS À FORMAÇÃO DE BIOFILMES EM GENOMAS DE ISOLADOS DE *SALMONELLA* HEIDELBERG DO BRASIL

Natália Silva de Oliveira¹, Diéssy Kipper², Vagner Ricardo Lunge³

¹ Aluna do curso de Medicina Veterinária, Bolsista PIBIC/CNPq, ² Bolsista de pós-doutorado da Simbios Biotecnologia, ³ Orientador, Professor do curso de Medicina Veterinária e do PPGBioSaude/ULBRA

natalia.oliveira01@rede.ulbra.br

Introdução

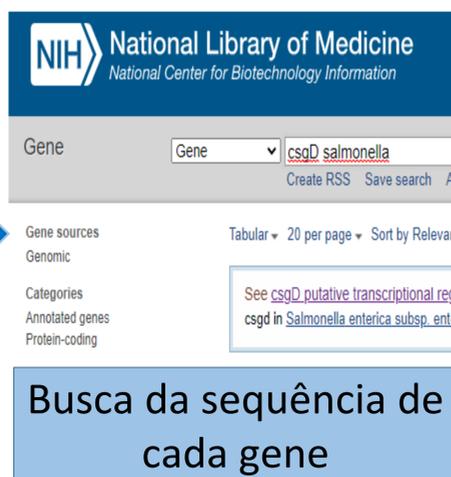
A salmonelose é uma doença adquirida pelo consumo de alimentos contaminados pela *Salmonella*. Atualmente, *Salmonella enterica* subespécie *enterica* do sorotipo Heidelberg (SH) é um dos principais sorotipos que ocorrem nas granjas de produção de frangos de corte, podendo levar à contaminação dos produtos avícolas nos frigoríficos. Os biofilmes podem se formar rapidamente em ambientes da indústria de alimentos devido as falhas nos procedimentos de higienização de instalações, utensílios e equipamentos. Tornando sua eliminação um desafio, especialmente por se apresentarem mais resistentes a agentes antimicrobianos do que células de vida livre (planctônicas).

Objetivo

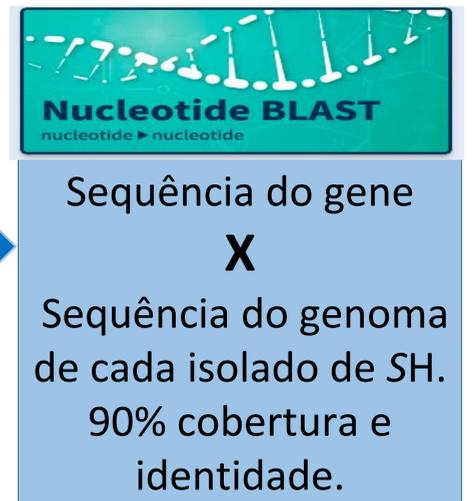
Pesquisar a ocorrência de genes associados à formação de biofilme em isolados de *Salmonella* Heidelberg.

Metodologia

Revisão bibliográfica para a identificação de genes associados à formação de biofilme em *Salmonella*



Elaboração de um conjunto de dados com a sequência de cada gene



Resultados

- 47 genes associados à formação de biofilme em *Salmonella* foram obtidos a partir da literatura.
- 70,2% (33/47) dos genes foram identificados em todos os genomas.
- 21,3% (10/47) dos genes foram identificados em 97% ou mais dos genomas.
- 8,5% (4/47) dos genes (*pefA*, *rck*, *sefA*, *srgA*) não foram identificados em nenhum genoma.

Conclusão

Novos estudos estão sendo realizados para a melhor compreensão da formação de biofilmes, com a análise dos genes associados à formação de biofilmes e as respectivas rotas metabólicas em *Salmonella* Heidelberg.